

Inhaltsverzeichnis

Vorwort	VII
In memoriam tit.ao. Prof. Dipl.-Ing. Dr. Hermann Hänsel	1
P. RUCKENBAUER	
Genomanalyse an Pflanzen - Überblick über die Thematik und Auswirkungen für die Pflanzenzüchtung	3
W. FRIEDT, R. SNOWDON und C. OBERMEIER	
Genomforschung bei Getreide	7
N. STEIN	
Medicago genomics and its use to study plant-pathogen interactions in alfalfa	11
G.B. KISS, J. JAKAB, K. MIRÓ, Á. DALMADI, T. PETROVICS and M. BALOGH	
Erwartungen eines Getreidezüchters an die Genomforschung	13
G. WELZ	
Erwartungen eines Rapszüchters an die Genomforschung	17
M. FRAUEN	
Molekulare Marker: Technologie und Anwendung	21
W. MICHALEK	
Molekulare Marker für die Weizenzüchtung	23
M. WOLF, H. LUERSSSEN, A. POLLEY, M. RÖDER und M. GANAI	
Etablierung der TILLING-Technik im hexaploiden Winterweizen	25
M. SCHMOLKE	
SuperSAGE and SuperTagArray: Technologies for a simultaneous quantitative transcriptome analysis of a host plant and a pathogen	27
G. KAHL, C. MOLINA, B. ROTTER, S.M. UDUPA, R. HORRES, R. JUNGMANN, P. WINTER, M. BAUM, M. REUTER, D.H. KRÜGER, H. MATSUMURA and R. TERAUCHI	
Expression marker development based on SuperSAGE transcription profiling	29
R. HORRES, R. JUNGMANN, C. MOLINA, L.C. BELARMINO, B. ROTTER, G. KAHL and P. WINTER	
DARt: Genotypisierung von Pflanzengenomen im Hochdurchsatz	31
V. MOHLER, F. STADLER, B. ROS, G. WENZEL, A. KILIAN, N. HOWES und R.F. PARK	
Nutzung von genomischen Ressourcen aus Reis und Gerste zur gezielten Markierung von Genen der Befruchtungskontrolle bei Roggen	33
B. HACKAUF, H. WORTMANN und P. WEHLING	
Entwicklung und Evaluierung einer Introgressionsbibliothek bei Roggen	37
T. MIEDANER, Z. SUŠIĆ, A. SEGGL, B. HACKAUF, V. KORZUN, J. SCHONDELMAIER, P. WILDE, H. WORTMANN, J. ROUPPE VAN DER VOORT, P. WEHLING und H.H. GEIGER	
Functional Genomics of Floral Transition in Sugar Beet	41
A. MÜLLER, B. BÜTTNER, U. HOHMANN and C. JUNG	
Transkriptom-Analyse der Gersten-<i>Rhynchosporium secalis</i> Interaktion	43
C. WAGNER	
Züchterisches Potenzial von Resistenz-QTL gegen Ährenfusarium bei Weizen	45
J. HÄBERLE, G. ZIMMERMANN und L. HARTL	
Development of ryegrass allele-specific markers for rust resistance in <i>Lolium perenne</i>	49
T. LÜBBERSTEDT, B. SCHEJBEL, U. FREI, B. WOLLENWEBER and Y. XING	
Selektion von Introgressionslinien in Sommergerste mit dem Ziel der Verifikation von QTLs für Malzqualität	53
I. SCHMALENBACH und K. PILLEN	
Erstellung einer cDNA-AFLP basierten Transkriptomkarte zur Malzqualität von Gerste	57
K. KRUMNACKER, S. MIKOLAJEWSKI, G. SCHWEIZER und M. HERZ	



Haplotypendiversität von Kandidatengenomen mit Einfluss auf die Malzqualität in Gerste	61
I. E. MATTHIES und M. S. RÖDER	
Genes for stress adaptation in cereals: from transcript profiling to functional tests	65
J. GYÖRGYÉY, G.V. HORVÁTH and D. DUDITS	
Assoziationsstudie in Gerste für das Merkmal Ährenschieben	69
S. STRACKE, G. HASENEYER, S. SAUER, H.H. GEIGER und A. GRANER	
Genetisch neuer Winterweizen - Strategien zur Erhöhung des Kornproteingehaltes	73
N. WEICHERT, A. VARSHNEY, H. WEICHERT, T. PERIASAMY, U. WOBUS, R. SCHACHSCHNEIDER und W. WESCHKE	
Identification of newly developed wheat/winter barley addition lines using fluorescence in situ hybridization and SSR markers	75
M. MOLNÁR-LÁNG, E. SZAKÁCS and G. LINC	
Die Verwendung der Resistenzgene in der Züchtung auf Gerstengelverzwergungsvirus-Resistenz bei Gerste und Weizen	79
J. CHRPOVÁ, V. ŠÍP, J.OVESNÁ, J.K. KUNDU, P. MARÍK, O.VEŠKRNA und P. HORCICKA	
Ergänzende Untersuchung zur Abhängigkeit der Symptome der Sprenkelkrankheit (<i>Ramularia leaf blight</i>) von der Entwicklung bei Wintergerste (<i>Hordeum vulgare</i> L.)	83
H. HÄNSEL und H. HUSS	

Poster

QTL analysis of phytosterols in <i>Brassica napus</i> L.	87
S. AMAR, W. ECKE, H.C. BECKER and C. MÖLLERS	
Quantitative trait loci influencing heterosis for seedling biomass and seed yield in oilseed rape	88
P. BASUNANDA, M. HASAN, T. SPILLER, W. FRIEDT and R. SNOWDON	
Einsatz von genetischen Ähnlichkeiten bei der Selektion potentieller Kreuzungseltern	89
A.M. BAUER und J. LÉON	
QTL - Kartierung der Fusariumresistenz einer BC2 Population aus <i>Triticum macha</i> * <i>Triticum aestivum</i>	90
M. BUERSTMAYR, J. MATUSCHKA, C. GLADYSZ, K. HUBER und H. BUERSTMAYR	
Fusarium-Resistenz von Winterweizen: Projektvorstellung zur Entwicklung und Kartierung funktioneller genetischer Marker mit Hilfe der Expressionsanalyse	91
M. DIETHELM, S. MIKOLAJEWSKI, C. WAGNER, M. RHIEL, L. HARTL, G. ZIMMERMANN, W. FRIEDT und G. SCHWEIZER	
CanoGMO: A new microarray for the detection of transgenic rapeseed	92
J. GEISTLINGER, P. WESTERMEIER and D. FISCHER	
Microsatellite Markers for the Genus <i>Cucurbita</i>	93
L.GONG, G. STIFT, R. KOFLER, M. PACHNER and T. LELLEY	
Nutzung molekularer Marker für die Bestimmung von zwei Resistenzgenen gegenüber Weizenbraunrost	94
A. HANZALOVÁ, J. CHRPOVÁ, V. DUMALASOVÁ and P. BARTOŠ	
Chloroplast genome research - A PCR primer database for the comprehensive analysis of a whole genome	96
B. HEINZE, A. CASTILLO, C. CALDERÓN, B. FUSSI and W. ARTHOFER	
Kornanomalien bei Sommergerste-Entwicklung der Merkmalsausprägung im Zuchtmaterial	97
M. HERZ, K. FINK, L. HARTL und M. BAUMER	
Untersuchungen zur differentiellen Genexpression nach BYDV-Infektion bei Gerste (<i>Hordeum vulgare</i> L.) mittels cDNA-AFLP	99
M. HOBERT, A. HABEKUSS, M. ZAHN, W. FRIEDT und F. ORDON	

Evaluation of transcription activity of two dehydrin genes Wcs120 and Wdhn13 in the wheat varieties with different level of frost tolerance	100
L. HOLKOVÁ, P. VÍTÁMVÁS, M. BRADÁCOVÁ, T. PRÁŠIL and O. CHLOUPEK	
Kartierung von Resistenz-QTL gegen Ährenfusarium in der Winterweizen-Population History/Rubens	101
J. HOLZAPFEL, H.-H. VOSS, V. KORZUN, T. MIEDANER, G. SCHWEIZER, G. ZIMMERMANN und L. HARTL	
Vergleichende Analyse der Restorer Gene beim PET1-, PET2- und PEF1-Cytoplasma der Sonnenblume	102
U. ENGELMANN, U. SCHNABEL, S. HAMRIT, D. WARBER, S. KURUTZ, B. KUSTERER, E. LAZARESCU, N. ÖZDEMIR, W. FRIEDT und R. HORN	
Using of polymorphism in cluster of Dhn3, 4 and 7 genes as possible selection criteria in barley breeding for higher level of frost tolerance	103
L. HOLKOVÁ, P. MIKULKOVÁ, I. PRÁŠIL, P. HRSTKOVÁ, M. BRADÁCOVÁ and O. CHLOUPEK	
Development of methods for bunt resistance breeding for organic farming	104
K. HUBER and H. BÜRSTMAYR	
Genetische Diversität SBCMV- und WSSMV-resistenter und anfälliger Weizengenotypen	105
K. HUMBROICH, H. JAISER, A. SCHIEMANN, P. DEVAUX, A. JACOBI, W. FRIEDT und F. ORDON	
Genetische Untersuchungen zur Turnip yellow virus (TuYV) Resistenz bei Winterraps (<i>Brassica napus</i> L.) und Entwicklung molekularer Marker	106
M. JUERGENS, I. KRÄMER, R. SNOWDON, F. RABENSTEIN und F. ORDON	
7S-Struktur und Funktion von SLY1 bei der Sonnenblume (<i>Helianthus annuus</i> L.)	107
G. KRENTZ, S. HAMRIT und R. HORN	
Screening for Resistance to Deoxynivalenol in Wheat	108
M. LEMMENS, U. SCHOLZ, F. BERTHILLER, R. SCHUHMACHER, G. ADAM, A. MESTERHAZY, R. KRŠKA AND H. BUERSTMAYR	
Haplotype diversity in the endosperm specific β-amylase gene Bmy1 of cultivated barley	109
L.V. MALYSHEVA-OTTO and M.S. RÖDER	
Breeding strategies of cereal rusts resistance in Hungary: decrease of leaf rust virulence on cereal crops, development of host resistance cultivars	110
K. MANNINGER	
Molecular genetic analysis of durable adult plant leaf rust resistance in the Austrian winter wheat cultivar 'Capo'	111
L. MATIASCH, K. HERZOG, J. KRAIC, V. ŠUDYOVÁ, S. ŠLIKOVÁ, F. LÖSCHENBERGER, J. LAFFERTY and H. BÜRSTMAYR	
Quantifizierung des Befalls von <i>Oculimacula acuformis</i> und <i>O. yallundae</i> als Grundlage zur Entwicklung molekularer Marker für Resistenzgene gegenüber der Halmbruchkrankheit bei <i>Triticum aestivum</i>	112
N. MEYER, P. KARLOVSKY, M. ZAHN, V. LIND, I. KRÄMER und F. ORDON	
Entwicklung und Validierung des CAPS-Markers HvHSC70/PstI aus einem hsp70 homologen differenziellen cDNA-AFLP-Fragment der Braugerste	113
S. MIKOLAJEWSKI, A. HANEMANN, K. KRUMNACKER, M. HERZ und G. SCHWEIZER	
Die Vererbung des β-D-Glukangehaltes in Gerste	114
B. BLANK, D. DAHAL, A. BINDER und J. LÉON	
Phänotypische Analyse einer F2 zur Kartierung der Hitzetoleranz bei Tomate (<i>Solanum lycopersicum</i> L.)	115
E. MITTERBAUER, G. BEDADA und E. ESCH	
Transcriptional profiling in <i>Brassica napus</i> seed using Serial Analysis of Gene Expression (SAGE)	116
C. OBERMEIER, B. HOSSEINI and R. SNOWDON	
Genetic Analysis of Heterosis for Biomass in Rapeseed (<i>B. napus</i> L.)	117
M. RADOEV, H. BECKER and W. ECKE	

Fusarium Resistenz von Winterweizen (<i>Triticum aestivum</i>) - Kandidatengenanalyse zur Entwicklung und Kartierung funktioneller genetischer Marker	118
M. RHIEL, S. MIKOLAJEWSKI, G. SCHWEIZER, W. FRIEDT und C. WAGNER	
Development and evaluation of winter wheat breeding lines carrying Fusarium head blight resistance QTL from spring wheat	119
A. SALAMEH, B. ALMAGHRABI and H. BUERSTMAYR	
cDNA-AFLP analysis for potato chip color quality after long term storage at 4°C	120
Y.-S. SONG, S. MIKOLAJEWSKI and A. SCHWARZFISCHER	
Marker development of potato nematode resistance to <i>G. rostochiensis</i> pathogen Ro2/3 and Ro5	121
Y.-S. SONG and A. SCHWARZFISCHER	
Identification of expressed genes involved in Fusarium head blight resistance of wheat	122
B. STEINER, H. KURZ, M. LEMMENS and H. BUERSTMAYR	
QTLs for salt tolerance: Comparison of barley mapping populations	123
A. WEIDNER, R.K. VARSHNEY, G.H. BUCK-SORLIN, N. STEIN, A. GRANER and A. BÖRNER	
Mapping of QTL for fibre and tannin compounds associated with meal quality in yellow-seeded oilseed rape	124
B. WITTKOP, F. LIPSA, R. SNOWDON and W. FRIEDT	